

Arvafrøði sum amboð í fiskivinnuni



Sunnvør Klettskarð í Kongsstovu



Hesin fyrilestur er partur av Vísundavøku á ferð 2017

Endamálið er at økja um áhugan fyrir granskingu og fyrir granskingsúrlitum í samfelagnum

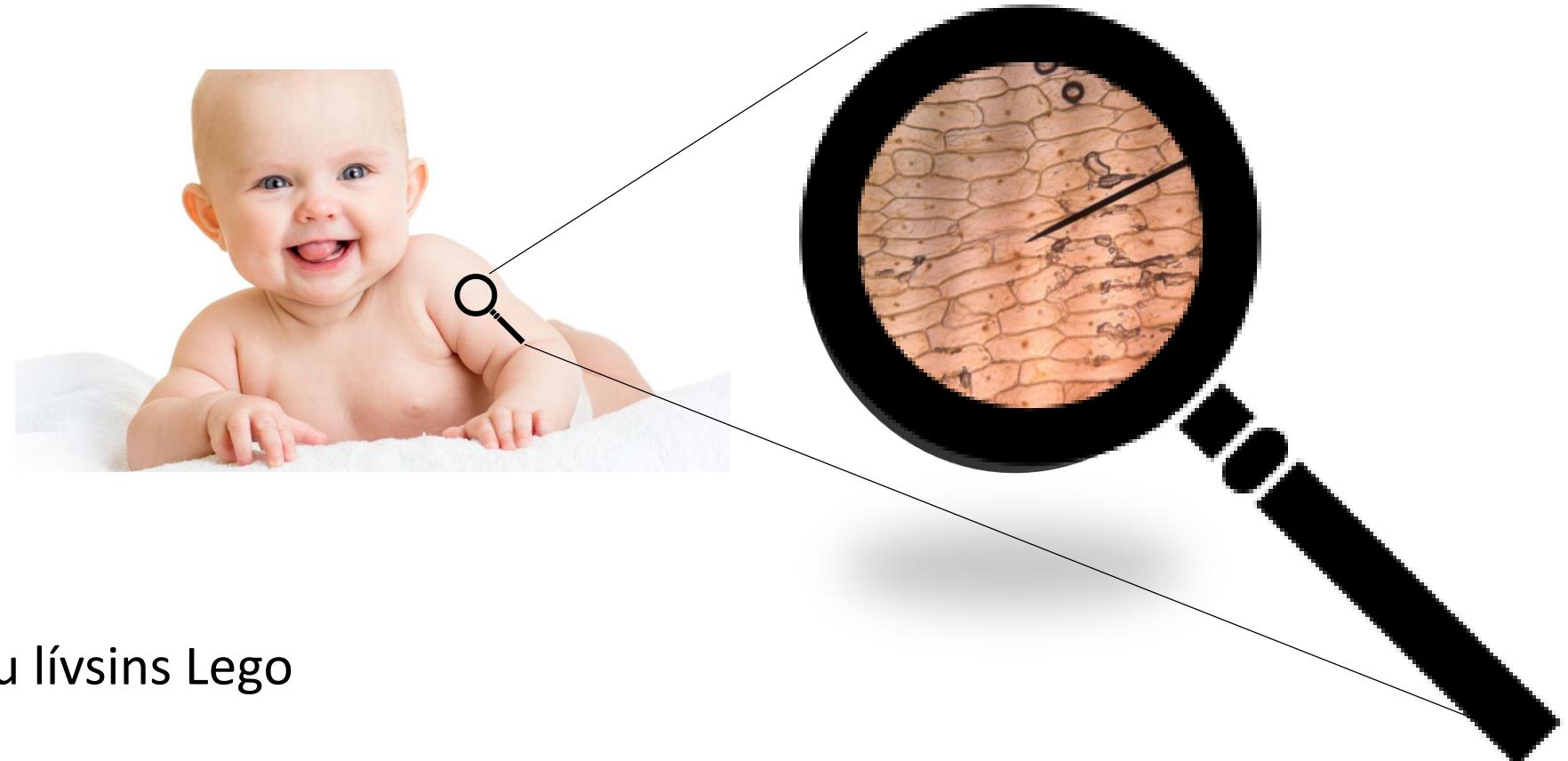
Fyrilestra yvirlit:

- Fyrst verður greitt heilt stutt frá hvat DNA og arvafrøði er
- Næst verður hugt nærri eftir hvussu arvafrøðilig amboð vera nýtt til at kanna menniskju
- Síðani verður greitt frá hvussu hesi somu arvafrøðilig amboð kunnu nýtast til at kanna fisk, og í umsiting av fiskivinnuna.
- Til seinast vera dömi nevnd har arvafrøðilig amboð hava veri nýtt til fisk.



Lívfrøði

- Um tú hyggur nóg nær, so er alt lív uppbygd af smáum eindum sum vit kalla kyknur.

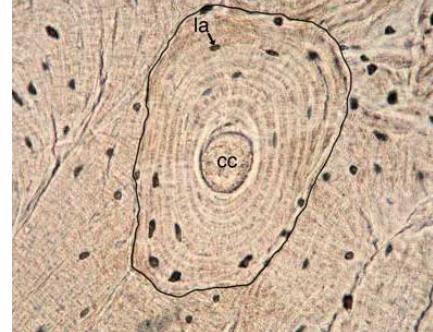


- Kyknur eru lívsins Lego

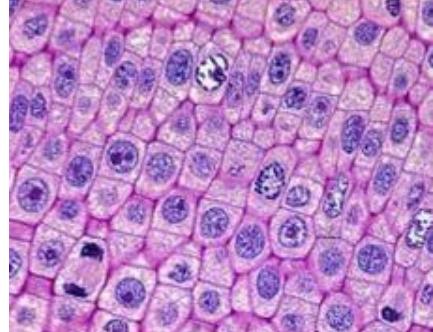
Lívfrøði

- Kyknur hava alskyns skap og støddir
 - Hetta er treyta av hvat djór og hvørjum likamsluti kyknan er av
- Kyknur er sera smáar og síggjast ikki við berum eygum
 - T.d. menniskja húð kyknur $30 \mu\text{m}$ ($0,00003 \text{ m}$) long
- Tað eru uml. $37.200.000.000.000$ kyknur í menniskja kroppinum

Kyknur frá beinagrind



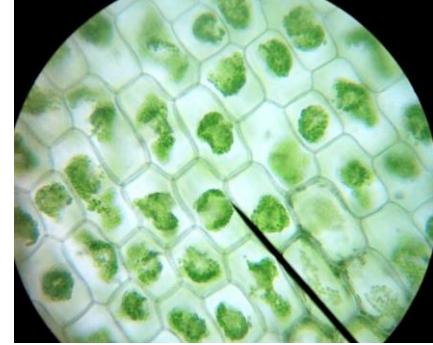
Húð kyknur



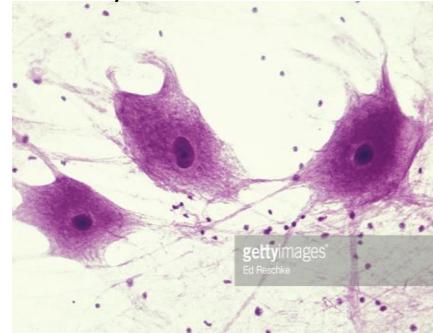
Sáð kyknur



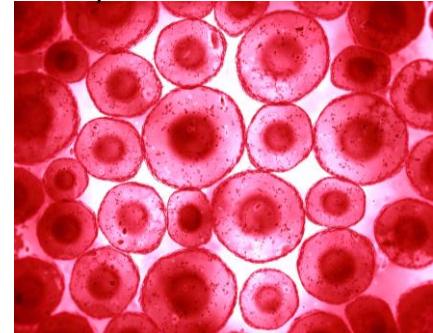
Plantu kyknur



Nerva kyknur

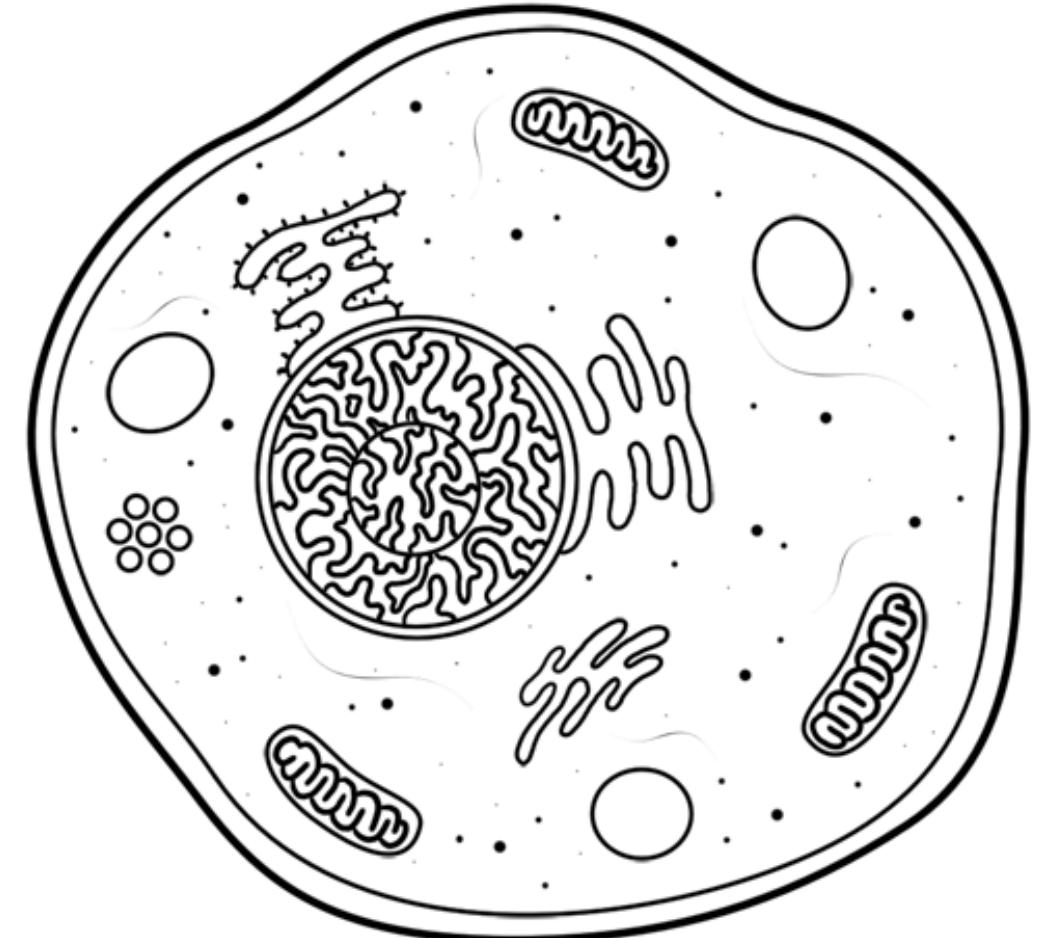


Blóð kyknur



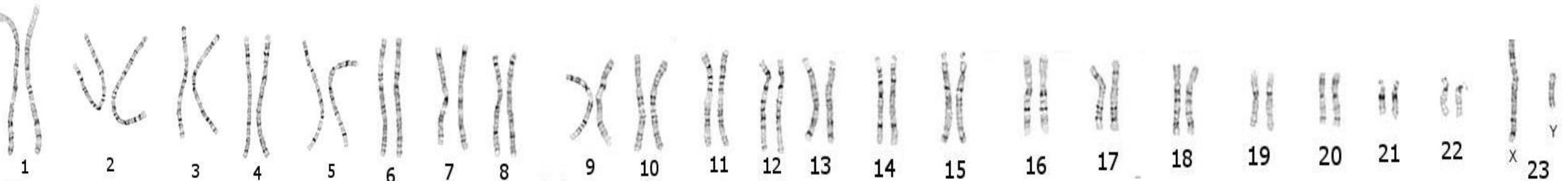
Lívfrøði

- Kyknur eru smáar feitt bløðrur
 - Feitt lag uttaná (membran)
 - Ein kjarna
 - Ymisk organellir
- Í kjarnanum á hvørjari kyknu í kroppinum er okkara arvamassi
 - Eisini kallað genom



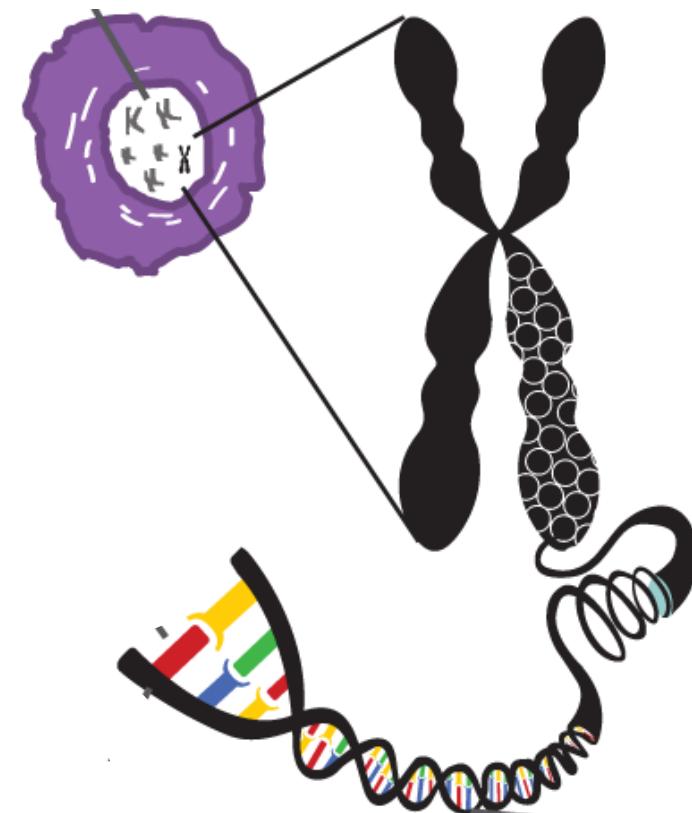
Arvafrøði

- Menniskja arvamassín er býttur upp í 23 pør av arvastrongjum
 - Eisini kallað kromosom
 - Annar strongurin í hvørjum pari verður arvaður frá pápanum, meðan hin verður arvaður frá mammuni
- Allur arvamassín hjá eini menniskjakyknu er uml. 2 m langur og bert 2 nm (0,00000002 m) breiður



Arvafrøði

- Arvastrongurin er gjørdur av DNA
 - DNA stendur fyrir deoxyribonucleic acid, ið er tað evnafrøðiliga navnið fyrir arvastrongin
- DNA hefur:
 - Eitt bakbein ið gevur DNA helix formin
 - Basur
 - Adenine (A) og Thymine (T)
 - Guanine (G) og Cytosine (C)
- Raðfylgjan av hesum basum er uppskriftin uppá okkum
 - Henda raðfylgjan avgerð t.d.
 - Húðarlit og eygnalit
 - Um vit hava cystiska fibrosu ella ikki
 - Hvussu vit niðurbróta mat



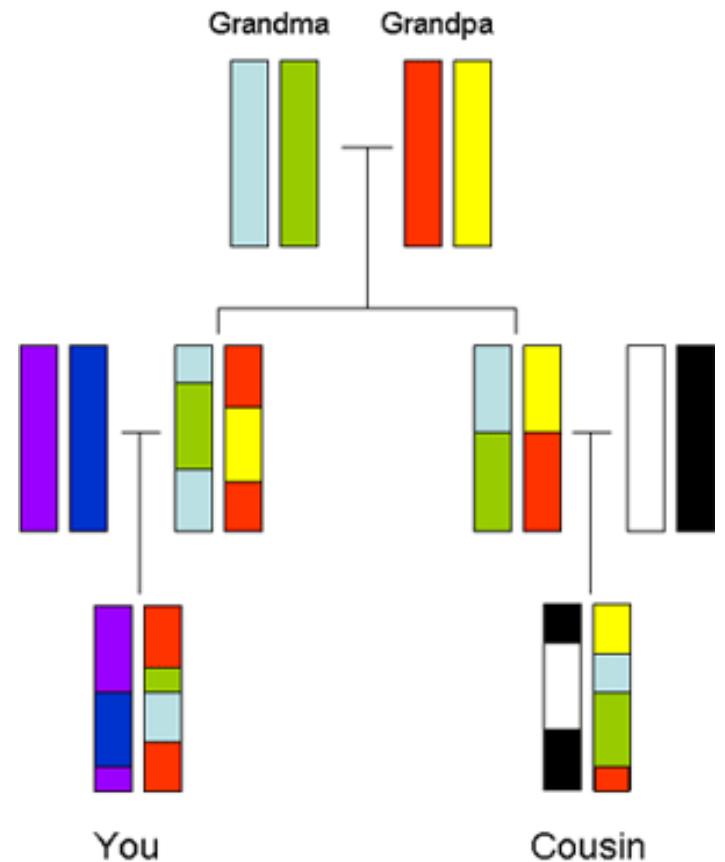
Arvafrøði

- At kortleggja ein arvamassa merkir at fáa greiðu á hvussu hendar raðfylgjan av basum (A,T,G og C) sær út
- Menniskja arvamassinn var kortlagdur í 2003 og er uml. 3.000.000.000 bp
- Ongin hevur tí somu raðfylgjuna, men tó er 99,9% av raðfylgjuni hjá öllum menniskjum líka



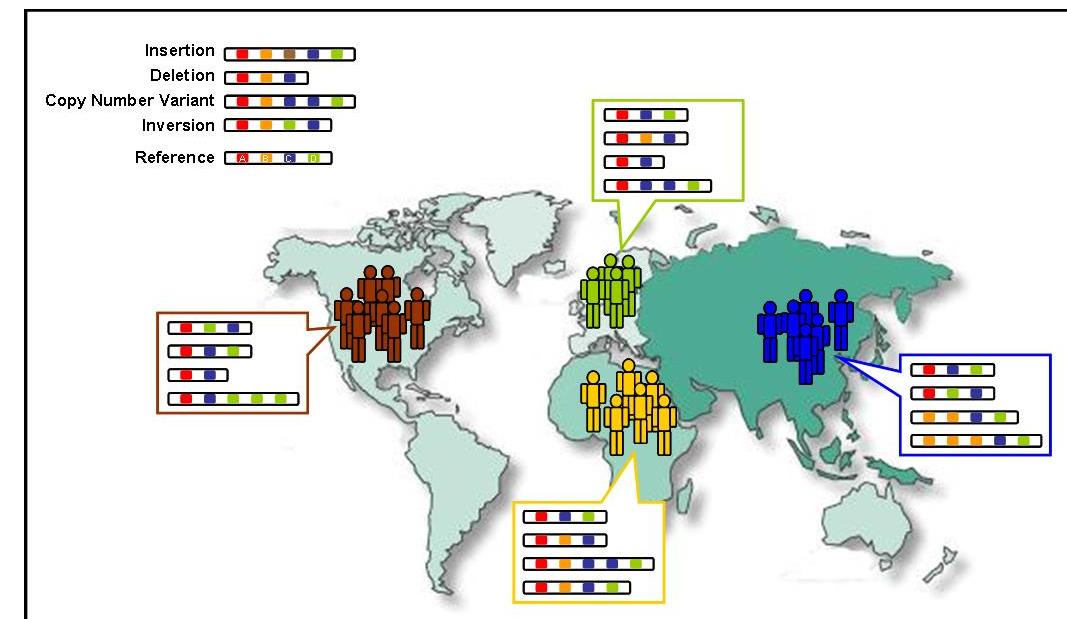
Arvafrøði

- Nærri tveir persónar eru í familju, meira líkist teirra raðfylgja.
 - Systkin arva teirra raðfylgju frá somu foreldrum, og hava tí sera líka raðfylgju
 - Systkinabørn arva teirra raðfylgju frá somu ommu og abba. Men tey arva eisini frá hinum ommu og abbanum, tí líkist raðfylgjan ikki líka nógv sum hjá systkjum
 - Trímenningar hava somu langommu og langabba, tí líkist teirra raðfylgja upp aftur minni



Arvafrøði

- Fólk úr sama landi eru ofta nærrí í familju enn fólk úr ýmiskum londum
 - Tí líkist basu raðfylgjan í arvastronginum hjá fólki úr sama landi
- Somuleiðis líkist raðfylgjan hjá fólki úr sama heimsparti

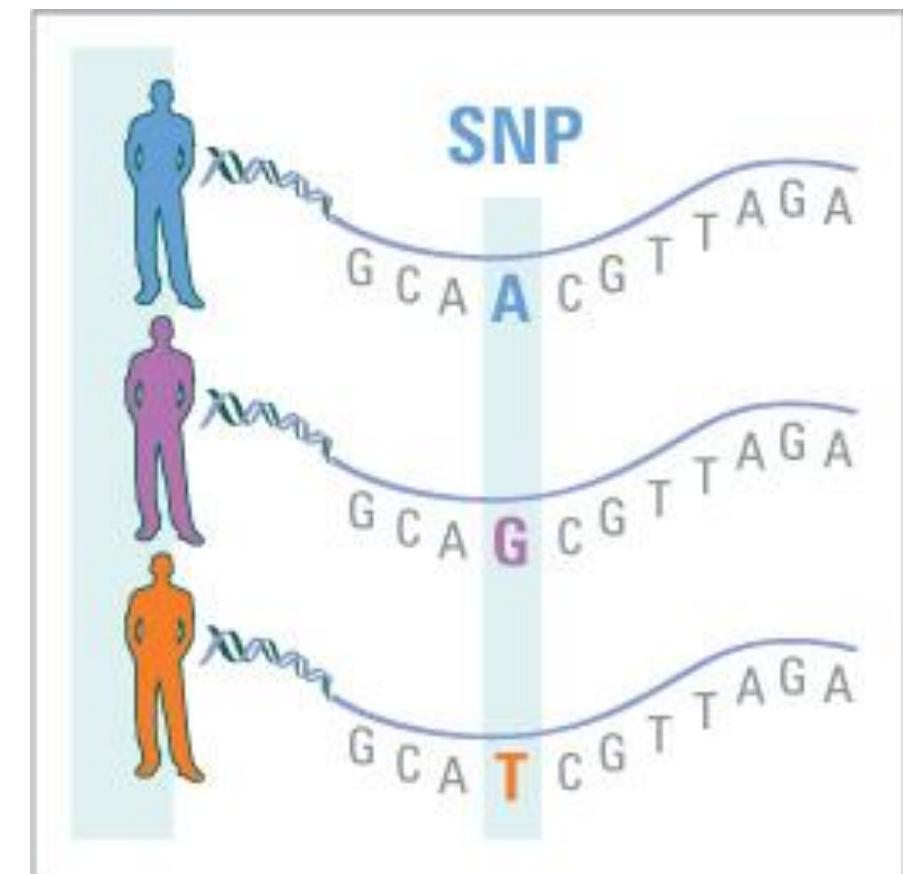


Arvafrøði

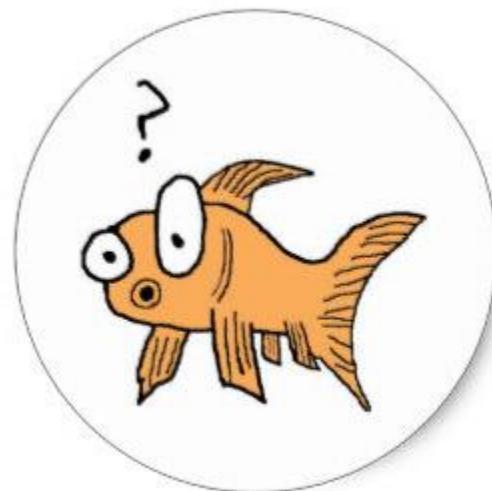
- Tey 0,1% av okkara raðfylgju sum kunnu vera ymisk frá persón til persón, eru tað sum er áhugavert í arvafrøði
 - Tað er hetta vit hyggja eftir tá vit vilja vita um tvey fólk eru í familju ella hvar tey eru frá.
- Ymisleikin í okkara arvamassa kann hava ymisk skap
 - Single nucleotide polymorphisms (SNP)
 - Insertion/deletion
 - Copy number variation
 - Microsatellites
 - Structural variations

Arvafrøði

- Single nucleotide polymorphisms (SNP)
 - Ein einkult basa í sama stað í raðfylgjuni hjá tveimur persónum er ymisk.
 - Hendasan kann t.d. vera tann sama hjá öllum í eini familju, ella öllum í einum landi
- SNPar eru nógv brúktir í arvafrøði

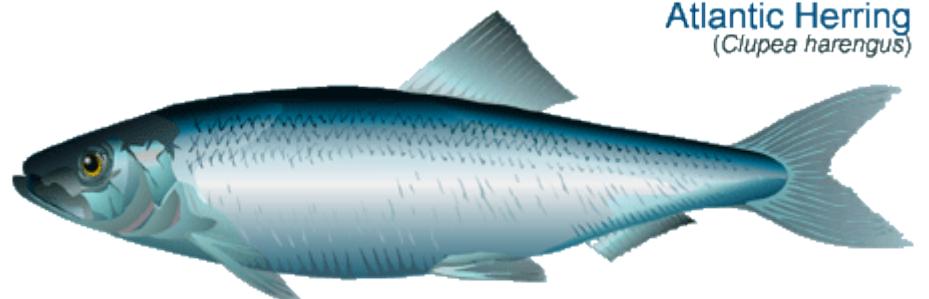


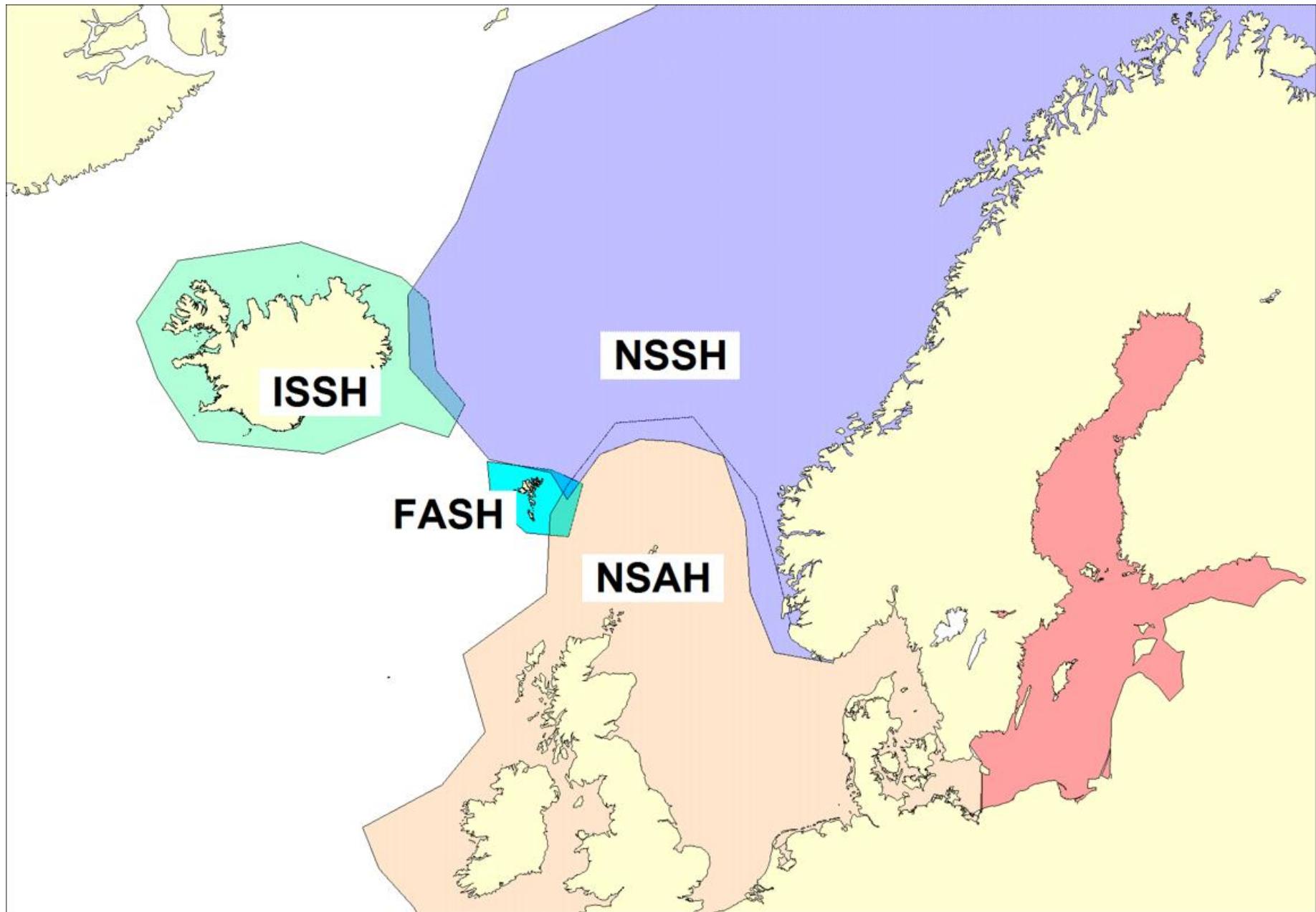
Hvat hevur alt hetta við fiskivinnuna at gera?



Fiskivinnan og arvafrøði

- HerGen
 - Mín PhD verkætlán
 - Endamál
 - Kortleggja arvamassan hjá sild
 - Finna arviligan mun í millum fýra sildastovnar
 - Føroyska fjarðarsild (FASH)
 - Íslendska sild (ISSH)
 - Norðhavssild (NSSH)
 - Norðsjóvar sild (NSAH)





Fiskivinnan og arvafrøði

- HerGen
 - Mannagongd
 - Lesa arvastrongin hjá 30 sildum úr hvørjum stovni
 - Samanbera arvastrongirnir og finna støð har munur er á

FASH -> AGTCTAA**G**TGTAGCATCAATGGCCTTACTTACTAATCATT

ISSH -> AGTCTAA**C**TGTAGCAT**C**TGGCCTTACTTACTAATCATT

NSAH -> AGTCTAA**C**TGTAGCATCAATGGCCTTACTTACTAAT**C**A**T**C

NSSH -> AGTCTAA**C**TGTAGCATCAATGGCCTTACTT**G**CTAATCATT

SNP panel 8 19 31 39

Fiskivinnan og arvafrøði

- HerGen

FASH -> AGTCTAA**G**TGTAGCATCAATGGCCTTACTTACTAATCATTG

ISSH -> AGTCTAA**C**TGTAGCAT**C**TGGCCTTACTTACTAATCATTG

NSAH -> AGTCTAA**C**TGTAGCATCAATGGCCTTACTTACTAAT**A**TC

NSSH -> AGTCTAA**C**TGTAGCATCAATGGCCTTACTT**G**CTAATCATTG

SNP panel _____8_____19_____31_____39_____

FASH	->	8=G, 19=A, 31=A, 39=T
ISSH	->	8=C, 19=T, 31=A, 39=T
NSAH	->	8=C, 19=A, 31=A, 39=A
NSSH	->	8=C, 19=A, 31=G, 39=T

Fiskivinnan og arvafrøði

- HerGen
 - Ókend silda sýni frá einum báti:

Sýni1	->	8=G, 19=A, 31=A, 39=T
Sýni2	->	8=C, 19=A, 31=G, 39=T
Sýni3	->	8=C, 19=T, 31=A, 39=T
Sýni4	->	8=C, 19=A, 31=G, 39=T
Sýni5	->	8=C, 19=A, 31=A, 39=A



- Úr hvørjum stovni eru hesar sildir?

Fiskivinnan og arvafrøði

- HerGen

FASH	->	8=G, 19=A, 31=A, 39=T
ISSH	->	8=C, 19=T, 31=A, 39=T
NSAH	->	8=C, 19=A, 31=A, 39=A
NSSH	->	8=C, 19=A, 31=G, 39=T

Sýni1	->	8=G, 19=A, 31=A, 39=T	=	FASH
Sýni2	->	8=C, 19=A, 31=G, 39=T	=	NSSH
Sýni3	->	8=C, 19=T, 31=A, 39=T	=	ISSH
Sýni4	->	8=C, 19=A, 31=G, 39=T	=	NSSH
Sýni5	->	8=C, 19=A, 31=A, 39=A	=	NSAH

Fiskivinnan og arvafrøði

- HerGen
 - Hví vilja vit hvørjum stovni ein fiskur er úr?

- Burðardyggan fiskiskap
- Minka um ólógligum, óskrásettum og óskipaðum fiskiskapi
- Stovnsumsiting
- Sporføri



Fiskivinnan og arvafrøði

- HerGen

- Úrslit

- Kortlagt arvamassan hjá sild
 - Lisið arvastrongin hjá sild úr teimum fýra stovninum
 - Funnið mun í millum stovnarnar
 - 1.881.133 SNPar



- Eftir at gera

- Rokna út hvørjir SNPar siga mest
 - Helst minni enn 100
 - Kanna um hetta veruliga riggar
 - Menna bíligari mannagongdir



Fiskivinnan og arvafrøði

- HerGen
 - Stuðla verkætlani hava:



FISKIVINNU
GRANSKING



Fiskivinnan og arvafrøði

- Aðrar verkætlanir

- FishPopTrace

- 15 granskara bólkar úr EU, Norra og Russlandi
 - “..build a framework providing end-user tools in the areas of fish population analysis and fish (product) traceability as well as for policy related monitoring, control, surveillance (MCS) and enforcement in the fisheries sector.”
 - “The holistic approach underlying FishPopTrace is also expected to be beneficial in the fight against Illegal, Unregulated and Unreported (IUU) fishing, for conservation and fisheries management measures, and for monitoring and surveillance of marine stock enhancement and aquaculture.”
 - 13 vísindaligar greinar



Fiskivinnan og arvafrøði

- Aðrar verkætlanir
 - Toskur (*Gadus morhua*)
 - 8 SNPar
 - Sild (*Clupea harengus*)
 - 32 SNPar
 - Leistur (*Solea solea*)
 - 50 SNPar
 - Hvítингur (*Merluccius merluccius*)
 - 72 SNPar



nature
COMMUNICATIONS

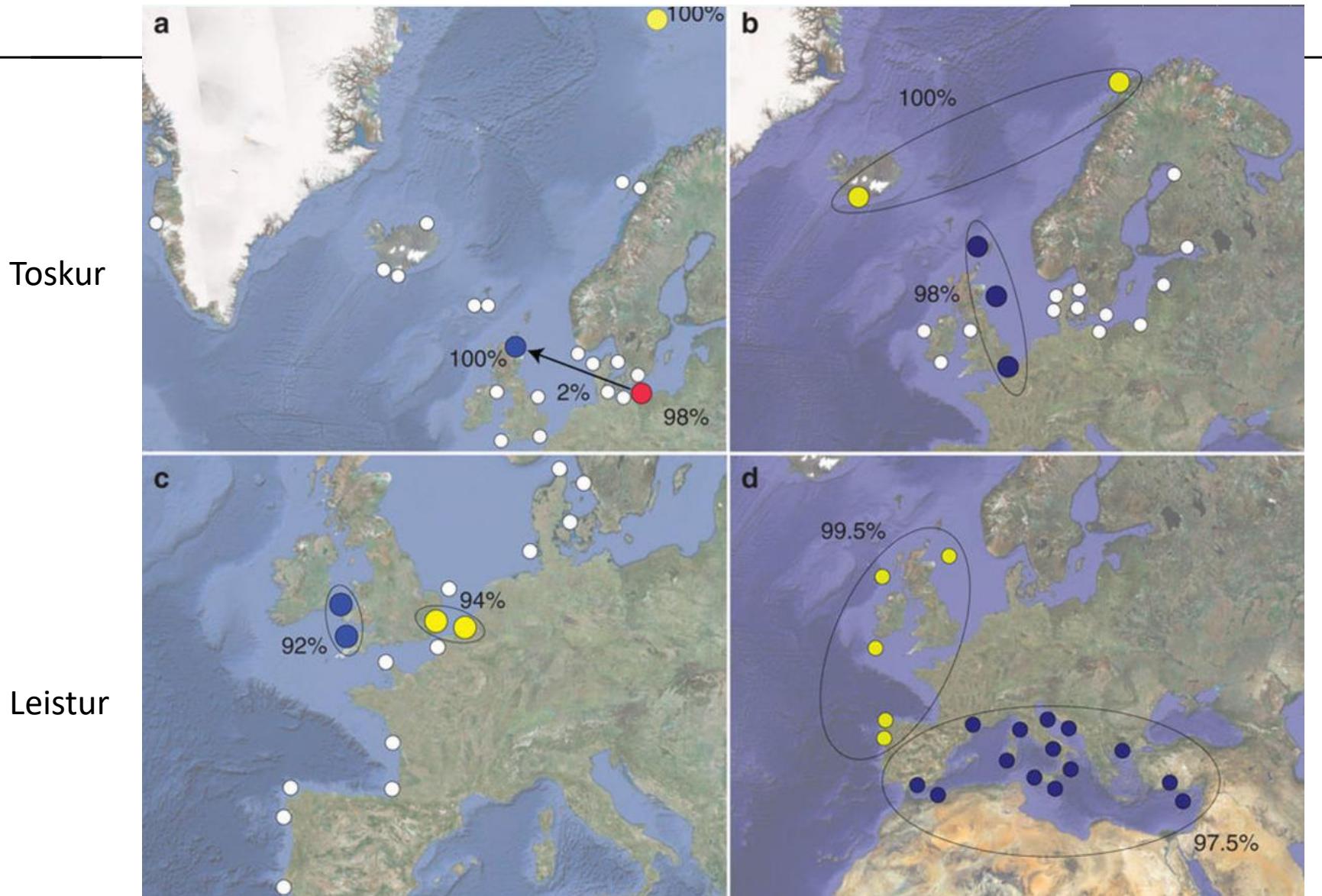
Altmetric: 74 Citations: 93

[More detail >](#)

[Article | OPEN](#)

Gene-associated markers provide tools for tackling illegal fishing and false eco-certification

Einar E. Nielsen, Alessia Cariani, Eoin Mac Aoidh, Gregory E. Maes, Ilaria Milano, Rob Ogden, Martin Taylor, Jakob Hemmer-Hansen, Massimiliano Babbucci, Luca Bargelloni, Dorte Bekkevold, Eveline Diopere, Leonie Grenfell, Sarah Helyar, Morten T. Limborg, Jann T. Martinsohn, Ross McEwing, Frank Panitz, Tomaso Patarnello, Fausto Tinti, Jeroen K. J. Van Houdt, Filip A. M. Volckaert, Robin S. Waples, FishPopTrace consortium & Gary R. Carvalho



Locations for the genetic baselines (white circles) and policy-led individual assignment case studies (coloured circles) for the four commercially important marine species. Shown is the percentage of fish assigned to the sample/area of origin and to other samples/areas (arrows). (a) Atlantic cod (*G. morhua*) case study: Northeast Arctic cod (yellow), North Sea cod (blue), Baltic cod (red). (b) Atlantic herring (*C. harengus*) case study: Northeast Atlantic herring (yellow), North Sea herring (blue). (c) Sole (*S. solea*) case study: Irish Sea/Celtic Sea sole (blue), Thames/Belgian Coast (yellow). (d) European hake (*M. merluccius*) case study: Mediterranean hake (blue), Atlantic hake (yellow).

Fiskivinnan og arvafrøði

- Aðrar verkætlanir

- Alivinnan

- Kannaðu aldan laks ið var funnin úti í náttúruni
 - Kundi við 195 SNPum siga hvørjum aliðki 34 út av 36 laksum komu frá
 - Við 300 SNPum -> 35/36

Journal List > BMC Genet > v.11; 2010 > PMC2818610



BMC Genet. 2010; 11: 2.

Published online 2010 Jan 6. doi: [10.1186/1471-2156-11-2](https://doi.org/10.1186/1471-2156-11-2)

PMCID: PMC2818610

A comparison of SNP and STR loci for delineating population structure and performing individual genetic assignment

Kevin A Glover,¹ Michael M Hansen,² Sigbjørn Lien,³ Thomas D Als,⁴ Bjørn Høyheim,⁵ and Øystein Skaala¹

[Author information](#) ► [Article notes](#) ► [Copyright and License information](#) ►

This article has been cited by other articles in PMC.

Abstract

Go to: 

Niðurstøða

- Arvafrøði er eitt sera hent amboð ið kann brúkast í fiskivinnuni
 - Hjálpa við at skipa burðardyggan fiskiskap
 - Minka um ólógligum, óskrásettum og óskipaðum fiskiskapi
 - Hjálpitól í stovnsumsiting
 - Sporföri



Takk fyri at tit lýddu á



Spurningar?

